



**ITMO Génétique, génomique
et bio-informatique**

ITMO Bases moléculaires
et structurales du vivant

Programme : Workshop « Protéomique et Maladies Rares » le 25 septembre 2012

à la FIAP Jean Monnet, 30 rue Cabanis à Paris 14^{ème}

9h30 : Allocution de bienvenue

Session I : La protéomique ; concepts, avantages et limites

9h40 : « Protéomique : Etat de l'art et perspectives » Odile SCHILTZ, *co-responsable Protéomique et Spectrométrie de Masse des Biomolécules, IPBS, CNRS, Toulouse*

10h10 : « Imagerie MALDI : concept, avantages et limites » par Charles PINEAU, *directeur de la plateforme Proteomique Biogenouest, Inserm U1085-IRSET, Rennes*

10 h40 : « Bases de données et ressources pour la protéomique » par Lydie LANE, *Swiss Institute of Bioinformatics (SIB), Co-directrice CALIPHO Group, Genève*

11h10 : Pause-café

Session II : Protéomique et maladies rares ; « success stories »

11h25 : « Physiopathologie de la mucoviscidose et nouvelles pistes thérapeutiques : apport des approches protéomiques » par Aleksander EDELMAN, *directeur d'équipe INSERM U845 Necker, Paris*

11h40 : « Analyse protéomique du muscle dystrophique et stratégies d'approches thérapeutiques » par Laetitia GUEVEL, *Université de Nantes, ONIRIS, UMR 703 PAnTher « Physiopathologie animale et biothérapie du muscle et du système nerveux »*

11h55 : « Identification d'une nouvelle forme d'amylose héréditaire : apport de l'analyse protéomique des dépôts amyloïdes » par Sophie VALLEIX, *Laboratoire de Biochimie et Génétique Moléculaire- Hôpital Cochin, Université Paris-Descartes, Inserm U1016, Institut Cochin, Paris*

12h10 : « Les maladies Congénitales de Glycosylation (CDG), leçons du passé et perspectives d'avenir » par François FOULQUIER, *CNRS UMR 8576, Unité de glycobiologie structurale et fonctionnelle, Université de Lille, Villeneuve d'Ascq*

12h25 : Bilan de la matinée et introduction des ateliers de l'après-midi par Bernard MONSARRAT, *co-responsable Protéomique et Spectrométrie de Masse des Biomolécules, IPBS, CNRS, Toulouse*

12h40 : Pause déjeuner (buffet offert aux participants)

Session III : Ateliers

14h00 : Exposé 1 et échanges : « *Caractérisation de complexes protéiques in-vivo* » par Romain RONCAGALLI, *Centre d'Immunologie de Marseille-Luminy*

14h30 : Exposé 2 et échanges : « *Aperçu des méthodes et outils de fouilles et de visualisation de données « omics »* » par Yves VANDENBROUCK, *Laboratoire de Biologie à Grande Echelle (Inserm U1038), Grenoble*

15h00 : Exposé 3 et échanges : « *Analyse protéomique des fluides biologiques* » par Anne GONZALEZ DE PEREDO, *IPBS, CNRS, Toulouse*

15h30 : Session plénière : exposition en 1 diapositive par des participants de leur question scientifique (projet de protéomique sur une maladie rare) et échanges avec les protéomistes présents pour des réponses et des conseils sur les approches et la méthodologie à mettre en œuvre.

Table ronde animée par :

- Serge AMSELEM, *coordinateur du programme RaDiCo sur les cohortes nationales de patients atteints de maladies rares, Paris*
- Sarah CIANFERANI-SANGLIER, *Laboratoire de Spectrométrie de Masse BioOrganique (LSMBO), Institut Pluridisciplinaire Hubert Curien (IPHC), Strasbourg*
- Yohann COUTE, *Laboratoire Biologie à Grande Echelle (BGE), U1038 INSERM/CEA/UJF, iRTSV, Grenoble*
- Jean-Claude MICHALSKI, *directeur de l'ITMO BMSV Aviesan, directeur adjoint scientifique INSB CNRS, CNRS UMR 8576, Unité de glycobiochimie structurale et fonctionnelle, Université de Lille, Villeneuve d'Ascq*
- Bernard MONSARRAT, *co-responsable Protéomique et Spectrométrie de Masse des Biomolécules, IPBS, CNRS, Toulouse*
- Charles PINEAU, *directeur de la plateforme Prot'omique Biogenouest, Inserm U1085-IRSET, Rennes*
- Odile SCHILTZ, *co-responsable Protéomique et Spectrométrie de Masse des Biomolécules, IPBS, CNRS, Toulouse*

16h00 : Pause-café en cours de session plénière

17h00 : Fin de la journée

Inscriptions gratuites mais obligatoires : <http://omics-mr.sciencesconf.org/>